

Supplementary Material to “How strong was the bottleneck associated to the peopling of the Americas? New insights from multilocus sequence data”

Table S3 – Estimated substitution rates (μ) for each locus.

Locus	N° sites	μ per site (95% CI)	μ per gene (95% CI)
1	2328	1.38×10^{-09} (8.15×10^{-10} - 2.08×10^{-09})	3.21×10^{-06} (1.90×10^{-06} - 4.84×10^{-06})
2	1228	9.47×10^{-10} (3.70×10^{-10} - 1.70×10^{-09})	1.16×10^{-06} (4.54×10^{-07} - 2.09×10^{-06})
3	1267	1.18×10^{-09} (6.85×10^{-10} - 1.77×10^{-09})	1.49×10^{-06} (8.68×10^{-07} - 2.24×10^{-06})
4	2504	1.04×10^{-09} (6.85×10^{-10} - 1.39×10^{-09})	2.61×10^{-06} (1.72×10^{-06} - 3.47×10^{-06})
5	2903	1.11×10^{-09} (5.97×10^{-10} - 1.77×10^{-09})	3.21×10^{-06} (1.73×10^{-06} - 5.15×10^{-06})
7	2761	9.35×10^{-10} (5.97×10^{-10} - 1.34×10^{-09})	2.58×10^{-06} (1.65×10^{-06} - 3.69×10^{-06})
8	670	7.08×10^{-10} (1.22×10^{-10} - 1.62×10^{-09})	4.74×10^{-07} (8.19×10^{-08} - 1.08×10^{-06})
9	1789	5.59×10^{-10} (2.81×10^{-10} - 8.45×10^{-10})	1.00×10^{-06} (5.03×10^{-07} - 1.51×10^{-06})
10	2006	8.00×10^{-10} (4.42×10^{-10} - 1.21×10^{-09})	1.60×10^{-06} (8.86×10^{-07} - 2.42×10^{-06})